

28 OCTOBER 2021

SUGENOMIK

# BISULFIT METILOM SEKANSLAMA

# ÖZET

- 1) clean\_data (fastqc analizi yapılmış okumaları içerir)
- 2) ref\_and\_bisulfite\_genome (referans ve referansın bisulfite genoma çevrilmiş dosyalarını içerir)
- 3) mapping\_to\_bisulfite\_genome (bisulfite genoma haritalama sonuçlarını, BAM files, içerir)
- 4) De-duplicating\_sorting\_indexing\_BAMs (BAM dosyalarının de-duplicate, sort ve indekslenmiş sonuçlarını içerir)
- 5) methylation\_stats (örneklere ait metilasyon istatistiklerini içerir)
- 6) methyldiff\_analysis (örnek karşılaştırmalarını içerir)
- 7) annotation (karşılaştırılması yapılan örneklerin atıflandırmalarını içerir)
- 8) expression\_bisulfite\_overlap (RNA-seq ve bisulfite analizlerinde bulunan genlerin (coding variants) ilişkilendirilmesini içerir).