



Diagnóstico Hematológico, Interpretación Clínica y Evaluaciones Hematológicas

(Basándose en los Valores Ideales Personal)

DESCRIPCIÓN

El método tradicional de interpretación de los análisis de sangre, que aprenden muchos médicos, se sitúa como mucho en el nivel de la formación básica, ya que se basa en valores de referencia generales. Estos valores de referencia establecidos se basan en los valores de una población «supuestamente sana» (*cuyo estado de salud no está confirmado*) de una región concreta (*Europa*) y se limitan a la generalización de grupos.

Sin embargo, es importante comprender que La ausencia de enfermedad no es sinónimo de buena salud, es decir, esta «población de referencia» no goza necesariamente de buena salud, con la consecuencia de que los valores de referencia son valores inexactos.

También es importante darse cuenta de que un profesional médico no puede o no debe juzgar el estado de salud de un paciente basándose en los valores de referencia y en si parece o se siente enfermo.

Es un hecho que las enfermedades no se manifiestan en un abrir y cerrar de ojos, sino que se desarrollan de forma asintomática con cambios bioquímicos en el interior de las células y, por tanto, también se evalúan de forma diferente.

Por ejemplo, si el valor basal de hemoglobina del paciente es inferior a 12, el paciente está anémico. ¿Eso significa que si tiene un valor de hemoglobina de 11,9, ya está enfermo, pero si tiene un valor de hemoglobina de 12,1, está perfectamente sano? ¿De verdad quieres creer o confiar en un método así?

Debe quedar claro que nuestra fisiología no funciona así y que no se puede confiar en unos valores de referencia tan simples para considerarse enfermo o no enfermo.

Lo que hacen la mayoría de los profesionales es fijarse en los valores del paciente y sólo reconocen la enfermedad cuando están fuera de los valores de referencia, y entonces se dedican a ver cómo tratar los síntomas, pero rara vez la causa, el origen. Tampoco aprenden a reconocer cuándo un paciente está «enfermando» y a definir la constitución psicosomática individual y los desequilibrios, incluida la creación de un perfil hematológico individual con biomarcadores en sus niveles ideales.

Muchos médicos no aprenden a prevenir las enfermedades ni a reconocer los desequilibrios sutiles antes de que se produzcan o se manifiesten y, por lo tanto, no reconocen que el paciente se encamina hacia el desarrollo de una enfermedad, con el resultado de que los afectados llegan a enfermar.

Para prevenir enfermedades físicas y mentales y promover la salud, es importante ajustar los biomarcadores individuales a los valores ideales y comprender que los distintos biomarcadores del análisis de laboratorio (*sangre, orina, heces*) y la constitución bioenergética individual de la persona están relacionados entre sí. Por lo tanto, es importante que los analicemos todos juntos y no individualmente.

Por ejemplo, si calculo la relación entre dos biomarcadores y la divido por la otra, obtengo un número. Este número es muy significativo.

Ejemplo: Triglicéridos/HDL o LDL/HDL o colesterol total/HDL o zinc/cobre o T3 libre/T4 libre o vitamina d-1,25/25hidroxi D3 o metales pesados en sangre/metales pesados en orina.

Estos ratios me proporcionan cifras que indican cómo funciona el metabolismo, cómo interactúa nuestro cuerpo con estos factores dentro de nuestro metabolismo, cómo están relacionados y cómo interactúan entre sí.

Cuando utilizo mi método de correlación y el método de los valores ideales personales para interpretar los análisis de laboratorio, junto con la identificación de la constitución y los desequilibrios individuales (*lo que pone de relieve la conexión mente, cuerpo y espíritu*), me permiten adoptar un enfoque holístico adaptado a cada persona y trabajar en la prevención de enfermedades físicas y mentales, la promoción de la salud y el restablecimiento de la salud y el bienestar.

Jurgen Bode

Naturópata (Col. 4914)

Experto Universitario en Diagnóstico Hematológico e Interpretación Clínica

Terapéuta Ayurveda

Kinesólogo